

Program for the SMAP 2009 congress

August 26, 2009

SUNDAY, 13 SEPTEMBER 2009

10h00 - 17h30 SFSM Formation day:

Interprétation de spectres de fragmentation : des petites molécules aux peptides (More details here)

MONDAY, 14 SEPTEMBER 2009

9h00 - 12h00 Youths clubs (Programme)

10h00 Registration and pose of posters

13h30 Opening with Dijonese personalities

14h00 - 16h00 Inaugural Conferences (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

PL1 *Ralph Bradshaw*

Progress in Proteomics: What's Working and What's Not

PL2 *Manfred Kappes*

Ions at the Interface between Mass Spectrometry and Nanotechnology

16h00-16h40 Coffee break: Posters, Exhibition

16h40-18h40 Communications in parallel sessions

"Instrumentation / Ionic Mobility" SESSION (*Room Morey Saint Denis*)

KL1 16h40 - 17h10 *Philippe Dugourd*

Analyse structurale de biomolécules par photodétachement d'électron et par mobilité ionique

O01 17h10 - 17h30 *Sarah Sanglier-Cianferani*

Mobilité Ionique et Spectrométrie de Masse Supramoléculaire pour la Caractérisation de Complexes Non-Covalents Protéine/ADN

O02 17h30 - 17h50 *Joël Lemaire*

Développement de spectromètres de masse transportables haute résolution pour la détection temps réel de composés toxiques

O03 17h50 - 18h10 *Coralie Serres-Piole*

UPLC –ICPMS/ESIMSMS : un couple universel & séduisant pour le suivi à haut débit d'empreintes moléculaires de métabolites dans un fluide biologique

18h10 *Open discussion*

"Interactome" SESSION (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

KL2 16h40 - 17h10 *Anne Claude Gavin*

Biochemical approaches to biomolecular networks

O04 17h10 - 17h30 *Eric Forest*

Nouveaux agents réticulants pour des études de structure et d'interaction de protéines

O05 17h30 - 17h50 *Julie Hardouin*

First complexomic study of alkane-binding-protein complexes of yeast *Yarrowia lipolytica*

O06 17h50 - 18h10 *Martial Séveno*

Proteomic analysis of the 5-HT₆ receptor complex: towards novel mechanisms of receptor regulation and signaling

18h10 *Open discussion*

19h15 Cocktail reception

TUESDAY, 15 SEPTEMBER 2009

08h20 Reception of the participants and pose of posters

08h40-09h30 Plenary conferences (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

PL3 *Lars Konermann* Web page

Studying Protein Structure and Function by Mass Spectrometry

16h00-16h40 Coffee break: Posters, Exhibition

09h30-12h40 Communications in parallel sessions

"Structural Analysis" SESSION (*Room Morey Saint Denis*)

KL3 9h30 - 10h00 *Andrea Sinz*

Protein-Protein Interaction Studies by Chemical Cross-Linking and High-Resolution Mass Spectrometry

O07 10h00 - 10h20 *Claudia Bich*

Réactivité et applications de nouveaux cross-linkers pour la détection de complexes protéine-protéine par spectrométrie de masse

O08 10h20 - 10h40 *Magalie Duchateau*

Echanges H/D et analyse top-down par ECD : de nouvelles perspectives pour l'analyse structurale de complexes protéiques par spectrométrie de masse.

10h40-11h30 Coffee break: Posters, Exhibition

O09 11h30 - 11h50 *Alexandre Stella*

Caractérisation par spectrométrie de masse des différentes étapes de la biosynthèse des acides mycoliques médiées par la polyketide synthase Pks13

O10 11h50 - 12h10 *Alain Dedieu*

A panoramic analysis of tyrosine iodination of mammalian thyroglobulin, a highly post-translationally modified protein

12h10 *Open discussion*

"Technological innovation for proteomics" SESSION (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

KL4 9h30 - 10h00 *Wilfrid Boireau*

Analyses de biomolécules par désorption/ionisation laser sur biocapteurs et matériaux nanostructurés :
Vers la mise au point d'une plateforme Puce/MS sans matrice.

O11 10h00 - 10h20 *Anne Gonzales de Peredo*

Towards the discovery of biomarkers in CSF by combining peptide ligand library treatment and label free protein quantification on a LTQ-Orbitrap

O12 10h20 - 10h40 *Magali Court*

Benefits of using the Equalizer™ technology for urinary proteome characterization in the context of an AMT approach.

10h40-11h30 **Coffee break: Posters, Exhibition**

O13 11h30 - 11h50 *Priscille Giron*

Covalent capture for enrichment of N-terminal cysteine and cysteine-containing peptides

O14 11h50 - 12h10 *Nicolas Barthélemy*

Vers une détermination fine de l'arrangement des protéines du cheveu

12h10 *Open discussion*

12h40-14h40 **Lunch**

Thermo Fisher Scientific and Applied Biosystem seminars will take place between **13h15 and 14h30**

14h40-15h30 Plenary conferences (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

PL4 *Jean Claude Michalski*

Glycoprotéines et glycobiologie dans la signalisation cellulaire

15h40-18h20 **Communications in parallel sessions**

"Small molecules quantification" SESSION (*Room Morey Saint Denis*)

KL5 15h30 - 16h00 *Laurent Debrauwer*

Spectrométrie de masse, métabolisme des xénobiotiques et toxicologie alimentaire : évolutions et perspectives.

O15 16h00 - 16h20 *Alessandra Maia-Grondard*

Les enjeux de la quantification des phytohormones dans une matrice complexe avec L'HPLC-ESI-MS-MS.

16h20-17h10 **Coffee break: Posters, Exhibition**

O16 17h10 - 17h30 *Orianne Videau*

Development of an LC-MS/MS assay method suitable for the quantification of the 'CIME' cocktail of substrates and related metabolites in human plasma

O17 17h30 - 17h50 *Séverine Compain*

Céramidogramme du cheveu par UPLC-MS/MS

17h50 *Open discussion*

"Imaging through mass spectrometry" SESSION (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

O18 15h40 - 16h00 *Delphine Debois*

ISD sur coupe: un nouvel outil pour l'identification de protéines en imagerie par spectrométrie de masse MALDI

O19 16h00 - 16h20 *Karim Arafah*

Dye-Assisted Laser Desorption Ionisation (DALDI): Introduction to a new field of investigation in lipid mass spectrometry imaging.

16h20-17h10 **Coffee break: Posters, Exhibition**

O20 17h10 - 17h30 *Alexandre Steyer*

Localisation de composés xénobiotiques à l'aide de l'imagerie par spectrométrie de masse ToF-SIMS.

O21 17h30 - 17h50 *Julien Franck*

Detection of High molecular mass for MALDI Imaging and Profiling

17h50 *Open discussion*

18h20 *Patrick Arpino*

Applications de la spectrométrie de masse dans les sciences forensiques

Waters seminar will start at **19h30**

19h30 - ... *Manufacturer evening*

WEDNESDAY, 16 SEPTEMBER 2009

08h20 *Reception of the participants and pose of posters*

08h40-09h30 *Plenary conferences (Romanée - Conti Amphitheatre)*

PL5 *Albert Heck*

Enabling Technologies in Proteomics

09h30-12h40 *Communications in parallel sessions*

"Organic and Inorganic Mass Spectrometry" SESSION (*Room Morey Saint Denis*)

KL7 9h30 - 10h00 *Brice Bouyssière*

La spectrométrie de masse inorganique : de la spéciation à la métallomique

O22 10h00 - 10h20 *Didier Arl*

Etude par ESI-FTICRMS et ESI-FTICRMSn de thiophenolates de zinc et de cadmium utilisés comme précurseurs de nanomatériaux semiconducteurs

O23 10h20 - 10h40 *Guerandel Cyril*

Nouvelle méthode d'analyse des lixiviats de ciment par spectrométrie de masse : Détection de traces de superplastifiant

10h40-11h30 **Coffee break: Posters, Exhibition**

O24 11h30 - 11h50 *Nicolas Vivas*

Déterminisme de la couleur des vins: Une approche chimique et biochimique de la couleur des vins blancs secs et des vins blancs liquoreux par spectrom

O25 11h50 - 12h10 *Sonia Cantel*

Détection de peptides par LDI-MS sur silice : de la poudre amorphe aux nanoparticules

12h10 *Open discussion*

"Bioinformatics and Biostatistics for proteomics" SESSION (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

KL8 9h30 - 10h00 *Frédéric Chalmel*

Exploration of the proteomics data in the "omics" context using the Annotation, Mapping, Expression and Network suite of tools

O26 10h00 - 10h20 *Christophe Bruley*

Outils pour les études protéomiques à large échelle

O27 10h20 - 10h40 *Pierre Naubourg*

Intégration de la gestion des données cliniques au sein d'un LIMS open source dédié à la protéomique.

10h40-11h30 **Coffee break: Posters, Exhibition**

O28 11h30 - 11h50 *Thomas Jouve*

Determinants of statistical power in mass-spectrometry - based biomarker discovery

O29 11h50 - 12h10 *Gaud Pinel*

Métabolomique et protéomique : nouvelles stratégies de mise en évidence de l'administration illégale de beta-agonistes en élevage

12h10 *Open discussion*

12h40-14h40 **Lunch**

Agilent and Bruker seminars will take place between **13h15 and 14h30** 14h40-15h30
Plenary conferences (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

PL6 *Alain Van Dorsselaer*

Protéomique : les "massistes" à la croisée des chemins.

15h30-18h00 **Communications in parallel sessions**

"Reactivity" SESSION (*Room Morey Saint Denis*)

KL9 15h30 - 16h00 *Roland Thissen*

Simulation expérimentale des réactions ion molécules des premières étapes de croissance moléculaires de l'ionosphère de Titan

O30 16h00 - 16h20 *Gilles Frison*

Comment sonder la structure de peptides en phase gazeuse ?

O31 16h20 - 16h40 *Charly Mayeux*

Interactions entre le cation césium et les acides fulviques : Utilisation de composés modèles et de la méthode cinétique.

16h40-17h10 **Coffee break: Posters, Exhibition**

O32 17h10 - 17h30 *Mathilde Triquigneaux*

Couplage des techniques RPE/MS : Elucidation de mécanismes réactionnels appliquée aux thiols

O33 17h30 - 17h50 *Maria A. Van Atgthoven*

Spectrométrie FTICR-MS Bidimensionnelle

17h50 *Open discussion*

"Biomarkers" SESSION (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

KL10 15h30 - 16h00 *Sylvain Lehmann*

Peptidomic profiling of cerebrospinal fluid for biomarker discovery program in neurodegenerative diseases

O34 16h00 - 16h20 *Caroline Truntzer*

Title to be published

O35 16h20 - 16h40 *Charles Pineau*

A combinatorial Omics approach to identify testicular germline markers in the human seminal plasma proteome

16h40-17h10 **Coffee break: Posters, Exhibition**

O36 17h10 - 17h30 *Marie Rossignol*

Caractérisation de protéines immunogéniques des glandes salivaires d'An. Gambiae comme marqueur d'exposition à la piqûre infectante par *P.falciparum*

O37 17h30 - 17h50 *Zeina Daher*

Subcellular proteomics sheds light on root plastid involvement in *Medicago truncatula* arbuscular mycorrhizal symbiosis

17h50 *Open discussion*

18h10-19h15 **General Assemblies of SFSM and SFEAP**

20h15.... **Gala evening**

THURSDAY, 17 SEPTEMBER 2009

08h20 **Reception of the participants and pose of posters**

08h40-09h30 **Plenary conferences (*Romanée - Conti Amphitheatre*)**

PL7 *Jérôme Garin*

Mass spectrometry-based proteomics turns quantitative

09h30-12h40 **Communications in parallel sessions**

"Fragmentation" SESSION (*Room Morey Saint Denis*)

KL11 9h30 - 10h00 *Gérard Bolbach*

Fragmentation in MALDI-TOF-TOF: fragile peptides and peptides with D-residues.

O38 10h00 - 10h20 *Nguyen Viet Hung*

Analyse d'oligonucléotides par l'Electron Detachment Dissociation (EDD) MS/MS

O39 10h20 - 10h40 *Stéphane Bouchonnet*

Mécanismes de dissociation de l'estrone électroionisée

10h40-11h30 **Coffee break: Posters, Exhibition**

O40 11h30 - 11h50 *Amandine Racaud*

Fragmentation d'oligosaccharides sulfatés et spectroscopie optique

O41 11h50 - 12h10 *Rodolphe Antoine*

Electron Photodetachment Dissociation (EPD) for structural characterization of protein polyanions

12h10 *Open discussion*

"Quantification: tools for proteomics" SESSION (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

KL12 9h30 - 10h00 *Delphine Pflieger*

Quantification en protéomique : état de l'art en analyses exploratoires et ciblées

O43 10h00 - 10h20 *Marjorie Leduc*

Quantification iTRAQ® : Etude de l'influence des paramètres de traitement des spectres MS/MS pour une analyse optimale.

O44 10h20 - 10h40 *Tanguy Fortin*

Cubed Multiple Reaction Monitoring (MRM 3) for low nanogram/mL

10h40-11h30 **Coffee break: Posters, Exhibition**

O45 11h30 - 11h50 *Caroline Tokarski*

Quantification of phosphoproteins using differential isotopic methodology: application to Persistent Organic Pollutants analysis

O46 11h50 - 12h10 *Thomas Stanislas*

Involvement of lipid rafts in the implementation of defense mechanisms in tobacco

12h10 *Open discussion*

12h40-14h30 **Lunch**

14h30-15h20 Plenary conferences (*Romanée - Conti Amphitheatre*)

PL8 *Bruno Le Bizec*

La spectrométrie de masse: un arsenal analytique incontournable au service de la sécurité chimique de l'aliment.

15h20-15h40 **SFSM these price : Aicha Bagag**

Photoionisation et spectrométrie de masse : un nouvel outil pour l'identification de biomolécules

15h40-16h00 **Awards for posters et selected presentations**

16h00-16h15 **Conclusion SFEAP and SFSM**